• 下載R程式

<u>http://cran.csie.ntu.edu.tw/bin/windows/base/</u> 下载目前最新版本 R-2.5.1-win32.exe

R-2.5.1 for Windows

This directory contains a Windows binary distribution of R-2.5.1.

Test builds of the planned October release of R 2.6.0 are available. Please test them, so we can fix any bugs ahead of the release.

Patches to this release are incorporated in the r-patched snapshot build.

A build of the development version (which will eventually become the next major release of R) is available in the r-devel snapshot build.

In this directory:

	README.R-2.5.1	Installation and other instructions.
	<u>CHANGES</u>	New features of this Windows version.
	NEWS	New features of all versions.
<	<u>R-2.5.1-win32.exe</u>	Setup program (about 29 megabytes). Please download this from a <u>mirror near you</u> .
	<u>old</u>	Previous releases.
	<u>md5sum.txt</u>	md5sum output for the setup program. A Windows GUI version of md5sum is available at
		http://www.md5summer.org/; a Windows command line version is available at http://www.etree.org/md5com.html

Note: R軟體一直在更新,由上述方法會下載到最新版本,如果喜歡用之前的版本可以選"old"下載。

- 執行 R-2.5.1-win32.exe
- 安裝完成後,執行桌面上的截徑:



• 在R的提示符號下輸入:

source("http://bioconductor.org/biocLite.R")

R Console R version 2.5.1 (2007-06-27) Copyright (C) 2007 The R Foundation for Statistical Computing ISBN 3-900051-07-0 R 是免費軟體,不提供任何擔保。 在某些條件下您可以將其自由散布。 用 'license()' 或 'licence()' 來獲得散布的詳細條件。 R 是個合作計劃,有許多人爲之做出了貢獻。 用 'contributors()' 來看詳細的情況並且 用 'citation()' 會告訴您如何在出版品中正確地參照 R 或 R 套件。 用 'demo()' 來看一些示範程式,用 'help()' 來檢視線上輔助檔案,或 用 'help.start()' 透過 HTML 瀏覽器來看輔助檔案。 用 'q()' 離開 R。 > source("http://bioconductor.org/biocLite.R")

• 待提示符號再次出現時, 輸入: biocLite()

R Console R 是免費軟體,不提供任何擔保。 在某些條件下您可以將其自由散布。 用 'license()' 或 'licence()' 來獲得散布的詳細條件。 R 是個合作計劃,有許多人爲之做出了貢獻。 用 'contributors()' 來看詳細的情況並且 用 'citation()' 會告訴您如何在出版品中正確地參照 R 或 R 套件。 用 'demo()' 來看一些示範程式,用 'help()' 來檢視線上輔助檔案,或 用 'help.start()' 透過 HTML 瀏覽器來看輔助檔案。 用 'q()' 離開 R。 > source("http://bioconductor.org/biocLite.R") > biocLite() Running biocinstall version 2.0.8 with R version 2.5.1 Your version of R requires version 2.0 of Bioconductor. Will install the following packages: [1] "affy" "affvdata" "affvPLM" "annaffv" "annotate" "DynDoc" [6] "Biobase" "Biostrings" "germa" "genefilter" [11] "geneplotter" "hgu95av2" "limma" "matchprobes" "marrav" [16] "multtest" "ROC" "vsn" "xtable" "affyQCReport" Please wait...

Note: 安裝時間略長,待提示符號再次出現時, 表示安裝結束, 才可關閉視窗

離開R

- Method 1: File -> Exit
- Method 2: > q()
- Method 3: R 視窗上方 🔯

