

# 森林分子遺傳學實驗室



博士班：陳昱蓉  
碩士班：林彥良、吳家禎  
陳藝勻、李承先  
助 理：紀尚芬



## 研究方向：

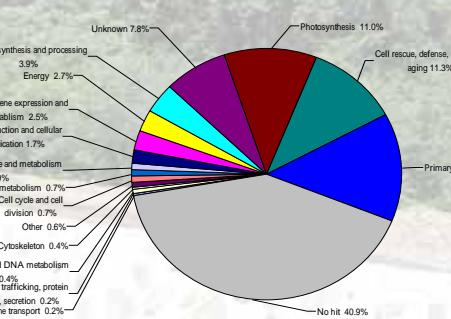
- 本土樹種功能性基因體學之研究
- 二次代謝產物生合成基因之多樣性分析
- 中草藥及健康食品產業化體系之推動及建立



*Taiwania cryptomerioide*

臺灣杉

### 基因資料庫之建立

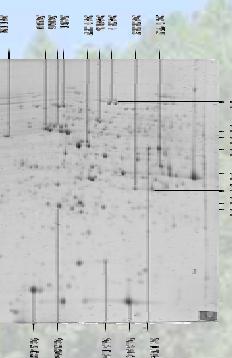


*Antrodia cinnamomea*

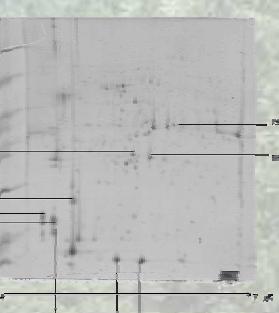
樟芝



蛋白質體分析

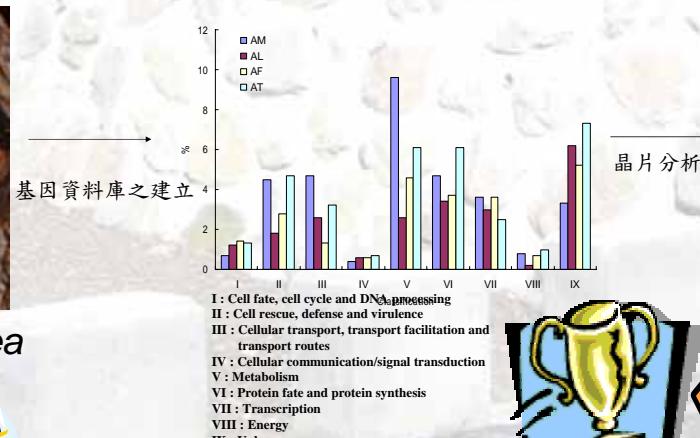
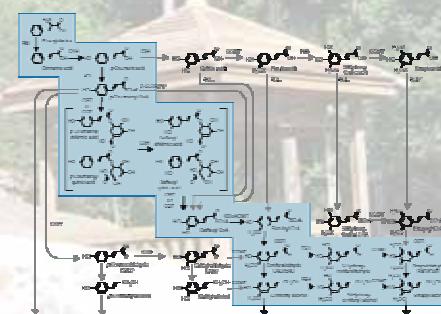
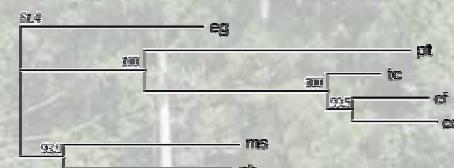


木質部



韌皮部

利用neighbor-joining method(nj)方法計算出各個不同物種的CCoAOMT基因的親緣關係。(圖上的數字表示各分歧點的可信度。比例尺顯示為每個核苷酸的代替數目substitutions per site; eg: *Eucalyptus globulus* . pt: *Pinus taeda* . tc: *Taiwania cryptomerioidea* . cf: *Chamaecyparis formosensis* . co: *Chamaecyparis obtusa var. formosana* . ms: *Maticago sativa* . pb: *Populus tremuloides*)



二次代謝生合成基因之比較分析

